

# Registratie infectieziekten

## Nationale surveillance van carbapenemaseproducerende *Enterobacteriaceae* (CPE)

In onderstaand overzicht vindt u de resultaten van de nationale surveillance van carbapenemase producerende *Enterobacteriaceae* (CPE). Doel van de surveillance is het vóórkomen van CPE in kaart te brengen. In het overzicht is 1 isolaat per patiënt weergegeven en zijn alleen de aangetoonde carbapenemase genen opgenomen. In het overzicht zijn grote uitbraken niet opgenomen.

Micro-organismen	Gen	Aantallen t/m week 36 2012
<i>Klebsiella pneumoniae</i>	KPC	5
	IMP	2
	NDM	5
	OXA-48	6
<i>Enterobacter spp</i>	VIM	1
	NDM	1
	OXA-48	2
<i>Escherichia coli</i>	NDM	3
	OXA-48	4

### Indeling van de gevonden carbapenemases

Drie Amblerklassen (1)

A: serinecarbapenemases	KPC	( <i>Klebsiella pneumoniae</i> -carbapenemase)
B: metallocarbapenemases	IMP	(Imipenemase)
	VIM	(Verona integron-encoded metallo-β-lactamase)
	NDM	(New Dehli metallo-β-lactamase)
D: OXA-carbapenemases	OXA-48	(oxacillinehydrolyserende β-lactamase)

### Literatuur

1. Ambler RP, et al. *Biochem J* (1991) 276, 269-272.

## Nationale surveillance van meticillineresistente *Staphylococcus aureus* (MRSA)

In onderstaand overzicht vindt u de resultaten van de nationale surveillance van meticillineresistente *Staphylococcus aureus* (MRSA). Infecties veroorzaakt door MRSA zijn moeilijk te behandelen door de ongevoeligheid van deze bacterie voor alle beta-lactamantibiotica (zoals penicillines, cefalosporines en carbapenems) en hun wisselende gevoeligheid voor andere groepen antibiotica. De nationale surveillance is opgezet om het effect van het MRSA search-and-destroybeleid te monitoren en te toetsen.

In tabel 1 is het totale aantal MRSA-isolaten opgenomen maar tevens het aantal buitenland gerelateerde en veegerelateerde isolaten en er is weergegeven hoeveel isolaten uit mogelijk infectieus materiaal afkomstig zijn en hoeveel afgenomen zijn voor screening.

**Tabel 1** Overzicht MRSA-isolaten week 1 t/m 36

	2011	2012
Totaal aantal MRSA-isolaten	2060	2199
Aantal buitenland gerelateerde isolaten*	85	90
Aantal veegerelateerde isolaten (ST 398)	860	824
Aantal niet-veegerelateerde isolaten	1200	1375
Aantal screeningsisolaten	1343	1456
Isolaten uit mogelijk infectieus materiaal	706	694
Isolaten uit ander materiaal	11	49

\* Op basis van ingevulde vragenlijsten

De genetische karakterisering van de MRSA-isolaten gebeurt met spa-typing. Bij spa-typing bepaalt men de DNA-sequentie van de repeatregio in het *Staphylococcus* proteïne A (spa) gen<sup>2</sup>. (1) Op basis van het spa-type kan men een uitspraak doen over een eventuele epidemiologische link. In tabel 2 zijn de meest frequent gevonden spa-types te zien tot en met week 10 in 2012 en de aantallen daarvan in 2011.

### Literatuur

1. Harmsen D, Claus H, et al. Typing of methicillin-resistant *Staphylococcus aureus* in a university hospital setting by using novel software for spa repeat determination and database management. *J Clin Microbiol* 2003; 41(12): 5442-8.

**Tabel 2** De meest frequent gevonden spa-types week 1 t/m 36

	2011	2012
Veegerelateerd (ST398)	t011	553
	t108	151
	t034	77
Niet-veegerelateerd	t002	147
	t008	172
	t1081	108
		81

Contactpersoon: A.P.J. Haenen,  
Centrum Infectieziektebestrijding, RIVM, tel. 030 - 274 4333